

ПЕРСОНАЛЬНАЯ ИНФОРМАЦИЯ

ОПЫТ РАБОТЫ

Федеральное государственное бюджетное научное учреждение «Федеральный исследовательский центр Институт цитологии и генетики Сибирского отделения Российской академии наук» (Новосибирск, Россия), Сектор функциональной генетики злаков - главный научный сотрудник

Новосибирский государственный университет (Новосибирск, Россия), Исследовательский центр продовольственной безопасности - главный научный сотрудник

Новосибирский государственный университет (Новосибирск, Россия), Факультет естественных наук, Кафедра цитологии и генетики

ЗАЩИТА ДИССЕРТАЦИЙ

2002 – кандидат биологических наук по специальности "Генетика"

2011 – доктор биологических наук по специальности "Генетика"

ЗВАНИЯ

2016 – Профессор РАН

ЧЛЕНСТВО В НАУЧНЫХ И ЭКСПЕРТНЫХ СООБЩЕСТВАХ

с 2014 - Председатель Новосибирского отделения Вавиловского общества генетиков и селекционеров (НООО ВОГиС)

с 2014 - Член Федерального реестра экспертов научно-технической сферы Российской Федерации.

с 2015 - Член Европейской ассоциации по исследованиям в области селекции растений (EUCARPIA).

2015 - Член Ассоциации научных редакторов и издателей (АНРИ).

РЕДАКЦИОННАЯ И ИЗДАТЕЛЬСКАЯ ДЕЯТЕЛЬНОСТЬ

Заместитель главного редактора Вавиловского журнала генетики и селекции

Член редколлегии журнала HEREDITAS

Член редколлегии журнала "Живая наука"

Член редколлегии журнала Cereal Research Communication

ОСНОВНЫЕ НАУЧНЫЕ РЕЗУЛЬТАТЫ ЗА ПОСЛЕДНИЕ 5 ЛЕТ

За последние пять лет Хлесткиной Е.К. получены приоритетные результаты в области генетики злаков, опубликованные в ведущих зарубежных журналах по направлению генетики и селекции растений. Идентифицированы и картированы более 20 генов и локусов количественных признаков (QTL), внесенных в мировой каталог генных символов пшеницы, в том числе генов, связанных с ростом и развитием, специфических генов устойчивости к заболеваниям и генов, связанных с широкой неспецифической устойчивостью к различным видам биотического и абиотического стресса, с потенциальной питательной ценностью зерна; из них некоторые гены впервые клонированы и отсеквенированы у пшеницы, ячменя и ржи. Обоснована целесообразность сохранения пула стародавних сортов ячменя и пшеницы, как источника генетического разнообразия; а также возможность использования широкого спектра доноров для увеличения разнообразия по отдельным признакам; выявлены потенциальные источники повышения устойчивости пшеницы к засухе. Отдельное внимание уделено биологической роли и хозяйственному значению генов, связанных с синтезом фенольных соединений растений, а также особенностям регуляции, эволюции и структурно-функциональной организации данных генов. Показана эффективность создания новых генотипов злаков с использованием методов молекулярной селекции и обоснована возрастающая роль генетических моделей и коллекций генетических линий для идентификации новых целевых генов и изучения особенностей регуляции генов современными методами сравнительной генетики и геномики.

[\(http://assa.bionet.nsc.ru/open/person/795/\)](http://assa.bionet.nsc.ru/open/person/795/)